INNOVACIÓN · FABRICACIÓN · INTEGRACIÓN · SERVICIO

Sistema automatizado de identificación microbiana por espectrometría de masas



Autobio Diagnostics Co., Ltd.

Ofrece más de 600 productos de diagnóstico in vitro, incluido CLIA (CLIA basado en microplacas y CLIA basado en partículas magnéticas), ELISA, POCT(Point of Care Test), Microbiología y Bioquímica. Como fabricante IS09001 y EN IS013485, Autobio suministra productos de alta calidad a través de su bien establecida red de ventas y es reconocido como un socio confiable. Para obtener más informaclón, visite en.autobio.com.cn. Autobio Diagnóstico Co, Ltd. | NO.87 Jingbei Yi Rd Zona Naclonal EcoTech Ciudad de Zhengzhou China 450016

Puede encontrarnos en:

Facebook: Autobio Diagnostics LinkedIn: Autobio Diagnostics YouTube Channel: Autobio Diagnostics Email: info@autobio-diagnostics.com WhatsApp: +86 185 9576 7835 Tel: +86 371 6200 7036



Sistema automatizado de identificación microbiana por espectrometría de masas20240625e





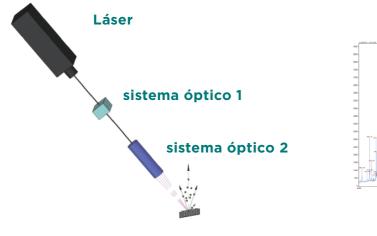


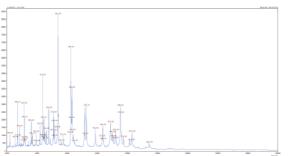
• MALDI-TOF MS

- Desde la década de 1980, la tecnología de espectrometría de masas se ha convertido en un método poderoso para análisis de proteínas.
- Ahora, como miembro importante de la espectrometría de masas, MALDI-TOF MS (Espectrometría de masas de tiempo de vuelo de ionización/desorción láser asistida por matriz) se ha converido en clave para el laboratorio clínico microbiológico para la identificación de bacterias patógenas.
- MALDI-TOF MS con su rapidez, precisión, rentabilidad y enriquecimiento constantemente de la base de datos, etc, lo que mejora en gran medida la eficiencia de la microbiología clinica identificación. Especialmente microaerobios, anaerobios, micobacterias y hongos.

ဝူ Sistema óptico de espectrometría de masas único ပီ

El principio de MALDI es irradiar la película cristalizacion formada por la muestra y la Matriz con un láser. La matriz absorbe energía de láser y la transfiere a biomoléculas, de modo que las moléculas de la muestra se ionizan.





🖓 Rendimiento del instrumento 占

Sistema de equilibrio térmico >>>>

Sistema garantiza la estabilidad del ciclo térmico del espectrómetro de masas, reduce en gran medida la deriva de temperatura.

Mejora la estabilidad y repetibilidad del sistema, y mejora la confiabilidad y vida últil del instrumento.

Método de optimización de ruta simple >>>>

Método simple de optimización de ruta en el software garantiza la estabilidad en la operación lógica y mejora el tiempo de detección.

Sistema de obtención de innovación >>>>

Sistema de obtención de rejilla de alta precisión y mejora de la sensibilidad.

Retraso de tiempo de iones para extraer el módulo >>>>

Módulo ha mejorado la capacidad de transporte de iones, ha promovido activamente la sensibilidad y la relación de resolución del sistema de espectro de masas y ha reducido el costo de fabricación, lo que puede ser mejor.

Sistema de autodiagnóstico de alto voltaje >>>>

Seguimiento en tiempo real del estado de alto voltaje sin rutas de retroalimentación complicadas ni juicios lógicos, respuesta extremadamente rápida y hace que el sistema sea más seguro y estable en términos de alto voltaje.

Filtro >>>>

Filtro de alta precisión de 0,01 um, se puede filtrar el 99,99% de los microorganismos patógenos, más eficiente y con un estándar más alto de control de riesgos de bioseguridad.

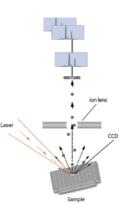
Función y aplicaciones o

Modo de iones negativos

Posee dos funciones de detección de iones de catión y anión, que pueden detectar una gama más amplia de tipos de muestras.

Aplicaciones >>>>

- investigación sobre carbohidratos
- Investigación sobre lípidos
- Identificación/investigación bacteriana



Espectrometría de masas de ácidos nucleicos

- La espectrometría de masas de ácidos nucleicos consiste en diseñar cebadores según el sitio objetivo. Después de amplificar la muestra mediante PCR múltiple, la detección del objetivo se lleva a cabo con una sonda de extensión especifica.
- Cuando la sonda de extensión se une objetivo, agrega una base y el peso molecular de la sonda cambia antes y después de la detección. Este cambio detectado por MALDI-TOF MS para obtener el resultado de la detección.

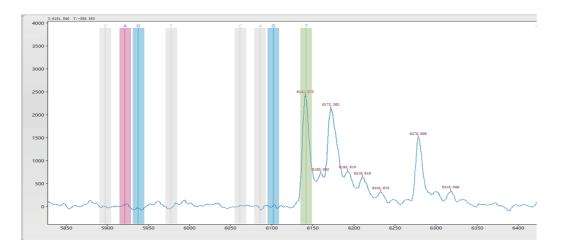


Imagen 1, Función del ácido nucleico (software) en el cribado genético de la sordera

Aplicaciones >>>>

- Detección de patógenos respiratorios (COVID-19+ S. pneumoniae/ M. pneumoniae/ H. influenzae/ C. pneumoniae/ Legionel la.spp)
- Marcadores tumorales
- Detección de talasemia
- Cribado genético de sordera
- estudios de metilación

Módulo de detección de iones (opcional)

- El voltaje de detección es ajustable de 0 a 500V.
- El rango de filtro es ajustable.
- Puede evitar el impacto de los electrones secundarios sobre los iones voladores y puede mejorar la velocidad de búsqueda e idantificación de picos.

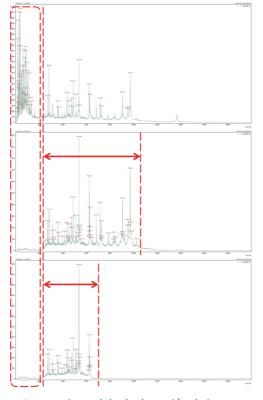


Imagen 2, modelo de detección de iones

Prueba de sensibilidad a antibióticos en MALDI-TOF

1. Bacterias resistentes a los fármacos antibacterianos β-lactámicos (ampicilina, imipenem, meropenem, ertapenem, cefotaxima, ceftazidima.

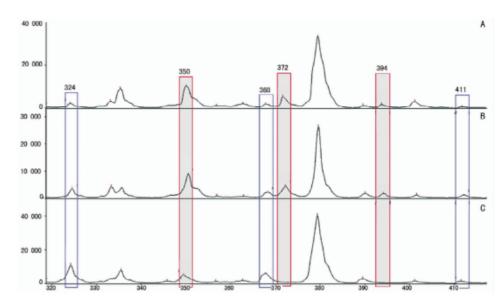


Imagen 3, espectro de masas después de la incubación con ampicilina (A es el control en blanco; B es el control negativo; C es la cepa resistente a la β-lactamasa).

2. MALDI TOF Detección de AST/MIC por espectrometría de masas (en investigación).

• Flujo de trabajo del método directo •





*Elige una colonia aislada



*El software genera espectro utomáticamente y lo compara con la base de datos de referencia para obtener un resultado de identificación



Q Identificación del flujo de trabajo a partir de frascos de hemocultivo positivos **b**

Accesorios y reactivos Q

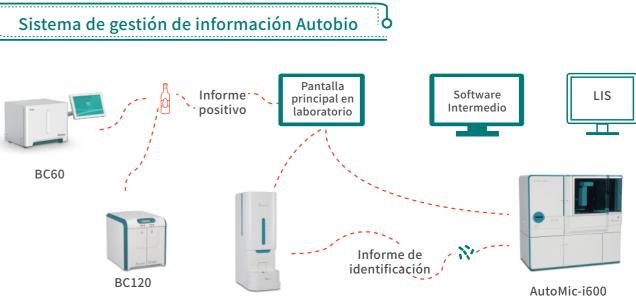
| ~ | \bigcirc | \bigcirc | | Cat No. |
|----------------------------------|--|---|---|----------------------------|
| Agregar rea | activo de pretratamiento | durante 10 minutos R | etire el sobrenadante | MSA01 |
| 1 ml de sangre de | | | agregue 1,0 ml de solución salina, mezcle bien y centrifugue, repita esto dos veces | MSA02 |
| na botella le sangre positiva | | | | MSA03 |
| | | | etire el sobrenadante, gregue lisante, mezcle bien | MSA04 |
| | | | | MSA05 |
| T | Ejecutar en el sistema MALDI | , , , , , , , , , , , , , , , , , , , | Centrifugar durante 1 minuto, agregar el sobrenadante al portaobjetos | 31.03.04.0009 |
| | < | 000000 | | 31.03.04.0010 |
| Consulte el manual para | conocer el flujo | | | ACID0101/ACID0102/ACID0103 |
| | Autof MS2600 | | | |
| | Láser de eatado sólido de 355nm | Rango de mesa: 1 ~ 500 kDa Resolución: >3600 FWHM (Angiotensina) Sensibilidad: 50 fmol/µl (insulina, S/N≥60) Precisión de masa: < 60 ppm (con calibración interna) Repetibilidad de masa: CV<0.015% BC60 | | |
| áser | Tasa de repetición 0-1200Hz 960 muestras/hora 7 mil millones de disparos láser | | | BC60 |
| iistema de vacio | 1,0x10 ⁻⁷ mbar Bomba de prevacío de membrana sin aceite y bomba turbomolecular | | | |
| | | | | Assain BCEN |
| argo x ancho x alto | 450mm*705mm*1250mm | | | BC120 |
| Largo x ancho x alto Peso | 450mm*705mm*1250mm 110 kilos | | | BC120 |

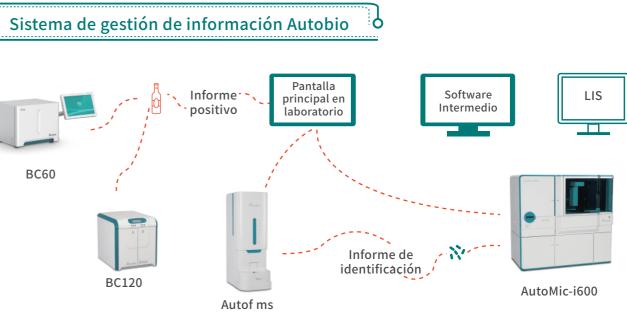
• Base de datos personalizable.

• Diseño óptico innovador.

comunes

| Realizar la interconexión del |
|-------------------------------|
| muestras. |





de resultados negativos.

| Descripción | Especificación | |
|---|---|--|
| Reactivo de pretratamiento de muestras | 100T | |
| Calibrador para AUTOF MS | 80T | |
| Matriz CHCA para uso con AUTOF MS | 0.5ml*4 botellas | |
| Reactivo de pretratamiento de hemocultivos positivos | 60T | |
| Reactivo de pretratamiento de hongos filamentosos | 120T | |
| Portaobjetos | 10 piezas | |
| Sujetador de Portaobjetos | 2 piezas | |
| Reactivo de pretratamiento de muestras de ácido nucleico | 480 pruebas/960 pruebas/3840 pruebas | |

Se puede conectar con el sistema de información de microbiología Autobio para realizar el intercambio de datos y el análisis estadístico multidimensional de los resultados de hemocultivos, el proceso de detección microbiana y el informe automático

el hemocultivo satelital y el sistema central de hemocultivo para reducir el tiempo TAT de las